

ANCHEM

SPEKTROMETRIA MAS I CHROMATOGRAFIA



KATALOG PRODUKTÓW

thermo
scientific

Authorized Distributor

T: +48 22 646 26 60
E: anchem@anchem.pl

ul. Międzyborska 23
04-041 Warszawa

anchem.pl

Chromatografy GC



TRACE 1600 / 1610

Moduły dozowników i detektorów z funkcją szybkiego podłączenia „Instant Connect” - jedyne takie rozwiązanie na rynku.



DESORPCJA TERMICZNA MARKES

Szeroki wybór produktów do desorpcji termicznej, autosamplery, podawanie próbek ze strumienia. W pełni kompatybilne z oprogramowaniem Chromeleon.

Autosamplery



TRIPLUS RSH SMART / TRIPLUS 500 / AI/AS 1610

Dozowanie prób:

- autosamplery HeadSpace strzykawkowe oraz pętlowe
- autosamplery do prób ciekłych
- autosamplery SPME.



PURGE AND TRAP ATOMX XYZ

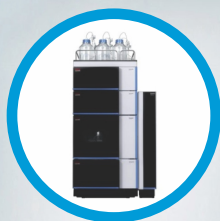
Przystawka do lotnych związków w wodzie i glebie z autosamplermem w pełni kompatybilna z oprogramowaniem Chromeleon.

Chromatografy HPLC



VANQUISH CORE / FLEX / HORIZON

Nowy standard UHPLC: system z technologią światłowodową, ciśnieniem roboczym do 1500 bar i autosamplermem na kilka tysięcy próbek.



VANQUISH DUO

Chromatograf umożliwia pracę z wykorzystaniem dwóch kanałów, posiada dwie niskociśnieniowe pompy w jednej obudowie, z których każda może pracować oddzielnie. System dual split posiada dwa niezależnie sterowane dozowniki.



VANQUISH NEO

Idealny do zastosowań LC-MS w proteomice, medycynie precyzyjnej czy badaniach translacyjnych, dzięki wykorzystaniu nano- i mirko-przepływów.



VANQUISH ANALYTICAL PURIFICATION

Vanquish Purification umożliwia rozdział, oczyszczenie i zbieranie frakcji związków chemicznych. Posiada on wbudowany kolektor frakcji, który dzięki wysokiej wydajności i precyzji pozwala uzyskać czyste frakcje analizowanych związków. Doskonale sprawdza się w oczyszczaniu oligonukleotydów czy przeciwciał monoklonalnych.

Systemy GCMS



ISQ 7610

Pojedynczy kwadrupol. Podwójny filament. Jonizacja EI, CI, PPINICI. Bezpośrednie wprowadzanie próbek.



TSQ 9610 / ANALIZATOR PESTYCYDÓW I DIOKSYN

Potrójny kwadrupol doskonały do oznaczeń ilościowych i screeningu w skomplikowanych matrycach. Źródło jonów o najwyższej czułości - IDL poniżej 0,3fg.



ORBITRAP EXPLORIS GC

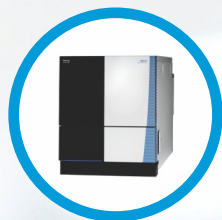
Najnowszy model spektrometru mas z technologią Orbitrap osiągający rozdzielczość nawet 240 000 przy zachowaniu kompaktowych wymiarów.



DFS

Spektrometr mas wysokiej rozdzielczości z sektorem magnetycznym i podwójnym ogniskowaniem jonów.

Systemy LCMS



ISQ EC

Pojedynczy kwadrupol
Prosty system LC/MS doskonały
jako uzupełnienie detektora
UV-VIS.



TSQ QUANTIS PLUS

Potrójny kwadrupol z nową
generacją optyki jonowej (AIM+).
Rozdzielczość 0,4 Da.
Zakres mas 2 - 3000 m/z.



TSQ FORTIS PLUS

Najbardziej przystępny
cenowo instrument z potrójnym
kwadrupelem, tzw. „entry level
instrument”.



TSQ ALTIS PLUS

Potrójny kwadrupol z nową
generacją optyki jonowej (AIM+).
Rozdzielczość 0,2 Da.
Czułość 1 500 000:1 S/N.

WYSOKA ROZDZIELCZOŚĆ

METABOLOMIKA - MAŁE CZĄSTKI



ORBITRAP EXPLORIS 120

Tandemowy spektrometr
mas wysokiej rozdzielczości
z analizatorem Orbitrap przeznaczone
do analiz małych cząstek.
Rozdzielczość do 120 000
Zakres mas 40 - 3 000 m/z
Fragmentacja MS/MS.



ORBITRAP IQ-X TRIBIRD

Sprawdzona i zaufana architektura
Tribird zoptymalizowana do analizy
małych cząstek.
Rozdzielczość do 500 000
Zakres mas 50 - 2000 m/z
Fragmentacja CID, HCD oraz MSⁿ.



ORBITRAP EXPLORIS MX

Spektrometr wysokiej rozdzielczości
o parametrach szybkości skanowania
22Hz oraz rozdzielczości 180 000,
przeznaczony do kontroli jakości
przeciwiał monoklonalnych (mAb).

OMIKA - DUŻE CZĄSTKI



Q-EXACTIVE PLUS

Linia tandemowych
spektrometrów mas wysokiej
rozdzielczości z analizatorem
Orbitrap. Model dedykowany
do analiz biofarmaceutycznych.



ORBITRAP FUSION / FUSION LUMOS

Hybrydowy spektrometr mas
wysokiej rozdzielczości.
Rozdzielczość do 1 000 000
Fragmentacja CID, HCD, ETD,
ETHCD, UVPD MSⁿ.



ORBITRAP EXPLORIS 240/480

Seria tandemowych spektrometrów
mas wysokiej rozdzielczości.
Idealne do metabolomiki, lipidomiki
czy proteomiki. Posiadają opcję
fragmentacji MS².



ORBITRAP ECLIPSE

Trybrydowy spektrometr mas łączący
analizator wysokiej rozdzielczości
typu Orbitrap i pułapkę jonową
z możliwością fragmentacji MSⁿ.
Doskonałe narzędzie do analiz
top-down dzięki opcji Proton
Transfer Charge Reduction (PTCR).

Przystawki LCMS

FAIMS PRO DUO

Interfejs FAIMS Pro oferuje
separację opartą na kombinacji
czynn timerów, takich jak wartość
ładunku, kształt, konformacja
i wielkość jonów w fazie gazowej.



VERISPRAY

Przystawka do screeningu i oznaczeń
ilościowych w toksykologii i badaniach
klinicznych. VeriSpray to źródło bezpośredniej
jonizacji bez rozdzielu chromatograficznego.
Wynik badania dostępny w kilka sekund.



ZIP CHIP

Zintegrowana mikroprzepływowa
przystawka do elektroforezy kapilarnej
(CE) i jonizacji elektrorozpylania (ESI)
aby szybko przygotować próbki biologiczne
bezpośrednio do spektrometru mas (MS).



IRMS



DELTA Q / 253+ / ULTRA

Spektrometry IRMS do pomiaru trwałych izotopów lekkich pierwiastków, o najwyższej precyzji i dokładności pomiarów dzięki zastosowaniu wyższych energii przyspieszania jonów i dodatkowym detektorom Faradaya (MAT 253+, Ultra HR-IRMS).



NEOMA / NEPTUNE

Wysokorozdzielczy multikolektorowy MC-ICP-MSz podwójnym ogniskowaniem i rozdzielczością do 15 000 dzięki 11 detektorom Faradaya oraz zastosowaniu SEM i RPO (NEOMA) dla najwyższej czułości i precyzji pomiarów.

HELIX SFT / HELIX MC PLUS

Spektrometr SVMS z sektorem magnetycznym do analizy gazów szlachetnych, dzięki zastosowaniu multikolektora (HELIX MC PLUS) to najbardziej zaawansowany system do pomiarów izotopów gazów szlachetnych.

ELEMENT 2/XR/GD

Spektrometr ICP-MS z sektorem magnetycznym z podwójnym ogniskowaniem, o wysokiej rozdzielczości, przeznaczony do analiz śladowych.

ARGUS VI

Kompaktowy spektrometr z sektorem magnetycznym umożliwia jednoczesny pomiar wszystkich izotopów argonu.

TRITONE

Wysokorozdzielczy spektrometr TIMS z jonizacją termiczną i podwójnym ogniskowaniem.

Oprogramowanie



CHROMELEON

Szeroko znane i doceniane przez naukowców oprogramowanie do obsługi chromatografów oraz systemów GCMS i LCMS zgodność z CFR 21 PART 11 Analiza ilościowa i jakościowa, obróbka danych, raportowanie.



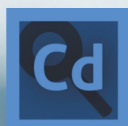
TRACEFINDER

Łatwe w obsłudze oprogramowanie dla systemów GCMS i LCMS. Analiza ilościowa, jakościowa oraz screening.



QTERGA

Intuicyjne, przyjazne dla użytkownika oprogramowanie kompatybilne ze spektrometrami Delta Q, Delta V, 253+, Neptune, Neoma, Triton oraz wszystkimi przystawkami peryferyjnymi.



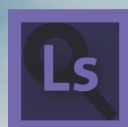
COMPOUND DISCOVERER

Oprogramowanie służące do identyfikacji i ustalania struktury małych cząstek. Analiza danych metabolicznych.



PROTEOME DISCOVERER

Oprogramowanie do kompleksowej analizy białek (identyfikacja, ustalenie sekwencji, oznaczenia ilościowe).



LIPIDSEARCH

Wspomaga opracowywanie danych lipidomicznych (identyfikacja, oznaczenia ilościowe, profilowanie).



KOLUMNY GC

Wśród kolumn do chromatografii gazowej znajdziemy kolumny o uniwersalnych wypełnieniach, jak również fazy specjalistyczne.



KOLUMNY HPLC

Wśród kolumn HPLC oferujemy kolumny z fazą krzemionkową – porowatą i rdzeniową, aniono- i kationo-wymienne.

PRZYGOTOWANIE PRÓBEK

Szeroki wybór kolumniek do SPE krzemionkowych oraz polimerowych, jak również innowacyjne rozwiązania SOLA usprawniające tę metodę; komory do SPE – do ekstrakcji manualnej oraz automatycznej.

NACZYNNKA

Duża ilość naczynek, zamknięć oraz sept kompatybilnych ze wszystkimi autosamplerami. Dostępne są również naczynka do przechowywania próbek oraz narzędzia do zamykania kapslowanych fiolek.