

# ANCHEM

SPEKTROMETRIA MAS I CHROMATOGRAFIA



## KATALOG PRODUKTÓW

**thermo**  
scientific

Authorized Distributor

T: +48 22 646 26 60  
E: [anchem@anchem.pl](mailto:anchem@anchem.pl)

ul. Międzyborska 23  
04-041 Warszawa

[anchem.pl](http://anchem.pl)

## Chromatografy GC



### TRACE 1600 / 1610

Moduły dozowników i detektorów z funkcją szybkiego podłączenia „Instant Connect” - jedyne takie rozwiązanie na rynku.



### DESORPCJA TERMICZNA MARKES

Szeroki wybór produktów do desorpcji termicznej, autosamplery, podawanie próbek ze strumienia. W pełni kompatybilne z oprogramowaniem Chromeleon.

## Chromatografy HPLC



### VANQUISH CORE / FLEX / HORIZON

Nowy standard HPLC: system z technologią światłowodową, ciśnieniem roboczym do 1500 bar i autosamplerem mieszczącym kilka tysięcy próbek.



### VANQUISH DUO

Dwukanałowy system UHPLC z dwiema pompami niskociśnieniowymi oraz systemem dual split z dwoma niezależnymi dozownikami umożliwia przeprowadzanie dwóch równoległych analiz przy użyciu jednego spektrometru mas.

## Autosamplery



### TRIPLUS RSH SMART / TRIPLUS 500 HS / AI/AS 1610

Dozowanie próbek:  
- autosamplery Headspace strzykawkowe oraz pętlowe  
- autosamplery do próbek ciekłych  
- autosamplery SPME



### PURGE AND TRAP ATOMX XYZ

Przystawka do analizy lotnych związków w wodzie i glebie z autosamplerem. W pełni kompatybilna z oprogramowaniem Chromeleon.

## Systemy GC-MS



### ISQ 7610

Pojedynczy kwadrupol. Podwójny filament. Jonizacja EI, PCI, NCI. Bezpośrednie wprowadzanie próbki.



### TSQ 9610 / ANALIZATOR PESTYCYDÓW I DIOKSYN

Potrójny kwadrupol doskonały do oznaczeń ilościowych i screeningu w skomplikowanych matrycach. Źródło jonów o najwyższej czułości i najniższym limicie detekcji - IDL  $\leq 0,3$  fg.



### ORBITRAP EXPLORIS GC

Najnowszy model spektrometru mas z technologią Orbitrap osiągający rozdzielczość nawet 240 000 przy zachowaniu kompaktowych wymiarów.



### DFS

Spektrometr mas wysokiej rozdzielczości z sektorem magnetycznym i podwójnym ogniskowaniem jonów.

# Systemy LC-MS



## ISQ EC

Pojedynczy kwadrupol  
Prosty system LC-MS doskonały  
jako uzupełnienie detektora  
UV-Vis.



## TSQ ALTIS PLUS

Potrójny kwadrupol z nową  
generacją optyki jonowej (AIM+).  
Rozdzielczość 0,2 Da.  
Czułość 1 500 000:1 S/N.



## STELLAR

Spektrometr mas o szybkości skanowania  
do 140 Hz, z możliwością fragmentacji MS<sup>n</sup>  
i szybkim przełączaniem polaryzacji w 5 ms.  
Liniowa pułapka jonowa osiąga prędkość  
125-220 kDa/S.



## TSQ QUANTIS PLUS

Potrójny kwadrupol z nową  
generacją optyki jonowej (AIM+).  
Rozdzielczość 0,4 Da.  
Zakres mas 2 - 3000 m/z.

## WYSOKA ROZDZIELCZOŚĆ

### METABOLOMIKA - MAŁE CZĄSTKI



## ORBITRAP EXPLORIS 120

Tandemowy spektrometr  
mas wysokiej rozdzielczości  
przeznaczony do analiz małych  
cząstek.

Rozdzielczość do 120 000  
Zakres mas 40 - 3 000 m/z  
Fragmentacja MS/MS



## ORBITRAP IQ-X TRIBRID

Sprawdzona i zaufana architektura  
Tribrid zoptymalizowana do analizy  
małych cząstek.

Rozdzielczość do 500 000  
Zakres mas 50 - 2000 m/z  
Fragmentacja CID, HCD oraz MS<sup>n</sup>

### OMIKA - DUŻE CZĄSTKI



## ORBITRAP EXPLORIS 240/480

Seria tandemowych spektrometrów  
mas wysokiej rozdzielczości.  
Idealne do metabolomiki, lipidomiki  
czy proteomiki. Posiadają opcję  
fragmentacji MS/MS.



## ORBITRAP ECLIPSE

Trybrydowy spektrometr mas łączący  
analizator wysokiej rozdzielczości  
typu Orbitrap i pułapkę jonową  
z możliwością fragmentacji MS<sup>n</sup>.  
Doskonałe narzędzie do analiz  
top-down dzięki opcji Proton  
Transfer Charge Reduction (PTCR).



## ORBITRAP ASCEND

Spektrometr umożliwia jednocześnie  
ilościowe oznaczanie i identyfikację  
(SQUAD). Dostępny jest w trzech  
wariantach - MultiOmics, Structural  
Biology i BioPharma.



## ORBITRAP ASTRAL

Spektrometr wykorzystuje trzy różne  
analizatory mas: kwadrupol, Orbitrap  
i nowatorski analizator Astral.  
Szybkość skanowania do 200 Hz.

# Przystawki LC-MS

## FAIMS PRO DUO

Interfejs oferuje separację  
opartą na kombinacji czynników,  
takich jak wartość ładunku, kształt,  
konformacja i wielkość jonów  
w fazie gazowej.

## VERISPRAY

Przystawka do screeningu i oznaczeń  
ilościowych w toksykologii i diagnostyce.  
VeriSpray to źródło bezpośredniej jonizacji  
bez rozdziału chromatograficznego.  
Wynik badania dostępny jest w kilka sekund.

## ZIPCHIP

Zintegrowana mikroprzepływowa  
przystawka do elektroforezy kapilarniej  
(CE) i jonizacji przez elektrozapylanie (ESI),  
aby szybko przygotować próbki biologiczne  
bezpośrednio do spektrometru mas (MS).



# IRMS



## DELTA Q / 253+ / ULTRA

Spektrometry IRMS do pomiaru trwałych izotopów lekkich pierwiastków, o najwyższej precyzji i dokładności dzięki zastosowaniu wyższych energii przyspieszania jonów i dodatkowym detektorom Faradaya (MAT 253+, Ultra HR-IRMS)



## NEOMA / NEPTUNE

Wysokorozdzielczy multikolektorowy MC-ICP-MS z podwójnym ogniskowaniem i rozdzielczością do 15 000 dzięki 11 detektorom Faradaya oraz zastosowaniu SEM i RPQ (NEOMA) zapewnia najwyższą czułość i precyzję pomiarów.

## HELIX SFT / HELIX MC PLUS

Spektrometr SVMS z sektorem magnetycznym do analizy gazów szlachetnych, dzięki zastosowaniu multikolektora (HELIX MC PLUS) jest najbardziej zaawansowanym systemem do pomiaru izotopów gazów szlachetnych.

## ELEMENT 2

Spektrometr ICP-MS o wysokiej rozdzielczości, z sektorem magnetycznym i podwójnym ogniskowaniem, przeznaczony do analiz śladowych.

## ARGUS VI

Kompaktowy spektrometr z sektorem magnetycznym umożliwia jednoczesny pomiar wszystkich izotopów argonu.

## TRITONE

Wysokorozdzielczy spektrometr TIMS z jonizacją termiczną i podwójnym ogniskowaniem.

# Oprogramowanie



## CHROMELEON

Znane i doceniane przez naukowców oprogramowanie do obsługi chromatografów oraz systemów GC-MS i LC-MS  
Zgodność z CFR 21 PART 11  
Analiza ilościowa i jakościowa, obróbka danych, raportowanie.



## TRACEFINDER

Łatwe w obsłudze oprogramowanie dla systemów GC-MS i LC-MS. Analiza ilościowa, jakościowa oraz screening.



## QTERGA

Intuicyjne, przyjazne dla użytkownika oprogramowanie kompatybilne ze spektrometrami Delta Q, Delta V, 253 +, Neptune, Neoma, Triton oraz wszystkimi przystawkami peryferyjnymi.



## COMPOUND DISCOVERER

Oprogramowanie służące do identyfikacji i ustalania struktury małych cząstek. Analiza danych metabolicznych.



## PROTEOME DISCOVERER

Oprogramowanie do kompleksowej analizy białek (identyfikacja, ustalenie sekwencji, oznaczenia ilościowe).



## LIPIDSEARCH

Wspomaga opracowywanie danych lipidomicznych (identyfikacja, oznaczenia ilościowe, profilowanie).



## KOLUMNY GC

Wśród kolumn do chromatografii gazowej znajdziemy kolumny o uniwersalnych wypełnieniach, jak również fazy specjalistyczne.



## KOLUMNY HPLC

Wśród kolumn HPLC oferujemy kolumny z wypełnieniem krzemionkowym (porowatym i sferycznym), a także żywe jonowymienne (anionowe i kationowe).

## PRZYGOTOWANIE PRÓBEK

Szeroki wybór kolumniek do SPE krzemionkowych oraz polimerowych, jak również innowacyjne rozwiązania SOLA usprawniające tę metodę; komory do SPE - do ekstrakcji manualnej oraz automatycznej.

## NACZYNKI

Duża ilość naczynek, zamknięć oraz sept kompatybilnych ze wszystkimi autosamplerami. Dostępne są również naczynka do przechowywania próbek oraz narzędzia do zamykania kapslowanych fiolek.