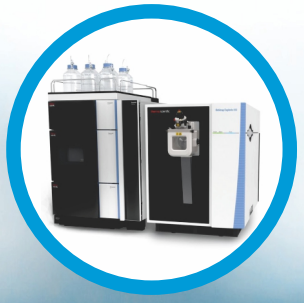
anchem

SPEKTROMETRIA MAS I CHROMATOGRAFIA



KATALOG PRODUKTÓW

thermo scientific

Authorized Distributor

T: +48 22 646 26 60
E: anchem@anchem.pl

ul. Międzyborska 23
04-041 Warszawa

anchem.pl

Chromatografy GC

TRACE 1600 / 1610

Moduły dozowników i detektorów z funkcją szybkiego podłączenia „Instant Connect" - jedyne takie rozwiązanie na rynku.

DESORPCJA TERMICZNA MARKES

Szeroki wybór produktów do desorpcji termicznej, autosamplery, podawanie próbek ze strumienia. W pełni kompatybilne z oprogramowaniem Chromeleon.

Autosamplery

TRIPLUS RSH SMART / TRIPLUS 500 HS / AI/AS 1610

Dozowanie próbek:
- autosamplery HeadSpace strzykawkowe oraz pętlowe
- autosamplery do próbek ciekłych
- autosamplery SPME

PURGE AND TRAP ATOMX XYZ

Przystawka do analizy lotnych związków w wodzie i glebie z autosamplerem. W pełni kompatybilna z oprogramowaniem Chromeleon.

Chromatografy HPLC

VANQUISH CORE / FLEX / HORIZON

Nowy standard HPLC: system z technologią światłowodową, ciśnieniem roboczym do 1500 bar i autosamplerem mieszczącym kilka tysięcy próbek.

VANQUISH NEO

Idealny do zastosowań LC-MS w proteomice, medycynie precyzyjnej czy badaniach translacyjnych, dzięki wykorzystaniu nano- i mikroprzepływów.

VANQUISH DUO

Dwukanałowy system UHPLC z dwiema pompami niskociśnieniowymi oraz systemem dual split z dwoma niezależnymi dozownikami umożliwia przeprowadzanie dwóch równoległych analiz przy użyciu jednego spektrometru mas.

PRELUDE SPLC

Wielokanałowy system HPLC. Do 4 kanałów pracujących jednocześnie. Przygotowanie próbek TurboFlow. Pompy strzykawkowe. Certyfikat IVD.

Systemy GC-MS

ISQ 7610

Pojedynczy kwadrupol. Podwójny filament. Jonizacja EI,PCI, NCI. Bezpośrednie wprowadzanie próbki.

TSQ 9610 / ANALIZATOR PESTYCYDÓW I DIOKSYN

Potrójny kwadrupol doskonały do oznaczeń ilościowych i screeningu w skomplikowanych matrycach. Źródło jonów o najwyższej czułości i najniższym limicie detekcji - IDL ≤ 0,3 fg.

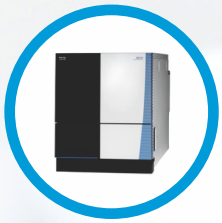
ORBITRAP EXPLORIS GC

Najnowszy model spektrometru mas z technologią Orbitrap osiągający rozdzielczość nawet 240 000 przy zachowaniu kompaktowych wymiarów.

DFS

Spektrometr mas wysokiej rozdzielczości z sektorem magnetycznym i podwójnym ogniskowaniem jonów.

Systemy LC-MS



ISQ EC

Pojedynczy kwadrupol
Prosty system LC-MS doskonały jako uzupełnienie detektora UV-Vis.

TSQ ALTIS PLUS

Potrójny kwadrupol z nową generacją optyki jonowej (AIM+).

Rozdzielczość 0,2 Da.
Czułość 1 500 000:1 S/N.

STELLAR

Spektrometr mas o szybkości skanowania do 140 Hz, z możliwością fragmentacji MS^n i szybkim przełączaniem polaryzacji w 5 ms. Liniowa pułapka jonowa osiąga prędkość 125-220 kDa/S.

TSQ QUANTIS PLUS

Potrójny kwadrupol z nową generacją optyki jonowej (AIM+).

Rozdzielczość 0,4 Da.
Zakres mas 2 - 3000 m/z.

WYSOKA ROZDZIELCZOŚĆ

METABOLOMIKA - MAŁE CZĄSTKI

ORBITRAP EXPLORIS 120

Tandemowy spektrometr mas wysokiej rozdzielczości przeznaczony do analiz małych cząstek.
Rozdzielczość do 120 000
Zakres mas 40 - 3 000 m/z
Fragmentacja MS/MS

ORBITRAP IQ-X TRIBRID

Sprawdzona i zaufana architektura Tribrid zoptymalizowana do analizy małych cząstek.
Rozdzielczość do 500 000
Zakres mas 50 - 2000 m/z
Fragmentacja CID, HCD oraz MS^n

OMIKA - DUŻE CZĄSTKI

ORBITRAP EXPLORIS 240/480

Seria tandemowych spektrometrów mas wysokiej rozdzielczości. Idealne do metabolomiki, lipidomiki czy proteomiki. Posiadają opcję fragmentacji MS/MS.

ORBITRAP ECLIPSE

Trybrydowy spektrometr mas łączący analizator wysokiej rozdzielczości typu Orbitrap i pułapkę jonową z możliwością fragmentacji MS^n. Doskonałe narzędzie do analiz top-down dzięki opcji Proton Transfer Charge Reduction (PTCR).

ORBITRAP ASCEND

Spektrometr umożliwia jednoczesne ilościowe oznaczanie i identyfikację (SQUAD). Dostępny jest w trzech wariantach – MultiOmics, Structual Biology i BioPharma.

ORBITRAP ASTRAL

Spektrometr wykorzystuje trzy różne analizatory mas: kwadrupol, Orbitrap i nowatorski analizator Astral. Szybkość skanowania do 200 Hz.

Przystawki LC-MS

FAIMS PRO DUO

Interfejs oferuje separację opartą na kombinacji czynników, takich jak wartość ładunku, kształt, konformacja i wielkość jonów w fazie gazowej.

VERISPRAY

Przystawka do screeningu i oznaczeń ilościowych w toksykologii i diagnostyce. VeriSpray to źródło bezpośredniej jonizacji bez rozdziału chromatograficznego. Wynik badania dostępny jest w kilka sekund.

ZIPCHIP

Zintegrowana mikroprzepływowa przystawka do elektroforezy kapilarnej (CE) i jonizacji przez elektrozapylanie (ESI), aby szybko przygotować próbki biologiczne bezpośrednio do spektrometru mas (MS).

IRMS

DELTA Q / 253+/ ULTRA

Spektrometry IRMS do pomiaru trwałych izotopów lekkich pierwiastków, o najwyższej precyzji i dokładności dzięki zastosowaniu wyższych energii przyśpieszania jonów i dodatkowym detektorom Faradaya (MAT 253+, Ultra HR-IRMS)

NEOMA / NEPTUNE

Wysokorozdzielczy multikolektorowy MC-ICP-MS z podwójnym ogniskowaniem i rozdzielczością do 15 000 dzięki 11 detektorom Faradaya oraz zastosowaniu SEM i RPQ (NEOMA) zapewnia najwyższą czułość i precyzję pomiarów.

HELIX SFT / HELIX MC PLUS

Spektrometr SVMS z sektorem magnetycznym do analizy gazów szlachetnych, dzięki zastosowaniu multikolektora (HELIX MC PLUS) jest najbardziej zaawansowanym systemem do pomiaru izotopów gazów szlachetnych.

ELEMENT 2

Spektrometr ICP-MS o wysokiej rozdzielczości, z sektorem magnetycznym i podwójnym ogniskowaniem, przeznaczony do analiz śladowych.

ARGUS VI

Kompaktowy spektrometr z sektorem magnetycznym umożliwia jednoczesny pomiar wszystkich izotopów argonu.

TRITONE

Wysokorozdzielczy spektrometr TIMS z jonizacją termiczną i podwójnym ogniskowaniem.

Oprogramowanie

CHROMELEON

Znane i doceniane przez naukowców oprogramowanie do obsługi chromatografów oraz systemów GC-MS i LC-MS
Zgodność z CFR 21 PART 11
Analiza ilościowa i jakościowa, obróbka danych, raportowanie.

TRACEFINDER

Łatwe w obsłudze oprogramowanie dla systemów GC-MS i LC-MS. Analiza ilościowa, jakościowa oraz screening.

QTERGA

Intuicyjne, przyjazne dla użytkownika oprogramowanie kompatybilne ze spektrometrami Delta Q, Delta V, 253 +, Neptune, Neoma, Triton oraz wszystkimi przystawkami peryferyjnymi.

COMPOUND DISCOVERER

Oprogramowanie służące do identyfikacji i ustalania struktury małych cząstek. Analiza danych metabolicznych.

PROTEOME DISCOVERER

Oprogramowanie do kompleksowej analizy białek (identyfikacja, ustalenie sekwencji, oznaczenia ilościowe).

LIPIDSEARCH

Wspomaga opracowywanie danych lipidomicznych (identyfikacja, oznaczenia ilościowe, profilowanie).

KOLUMNY GC

Wśród kolumn do chromatografii gazowej znajdziemy kolumny o uniwersalnych wypełnieniach, jak również fazy specjalistyczne.

KOLUMNY HPLC

Wśród kolumn HPLC oferujemy kolumny z wypełnieniem krzemionkowym (porowatym i sferycznym), a także żywice jonowymienne (anionowe i kationowe).

PRZYGOTOWANIE PRÓBEK

Szeroki wybór kolumienek do SPE krzemionkowych oraz polimerowych, jak również innowacyjne rozwiązania SOLA usprawniające tę metodę; komory do SPE – do ekstrakcji manualnej oraz automatycznej.

NACZYNKA

Duża ilość naczynek, zamknięć oraz sept kompatybilnych ze wszystkimi autosamplerami. Dostępne są również naczynka do przechowywania próbek oraz narzędzia do zamykania kapslowanych fiolek.